

UNIVERSIDAD DE COSTA RICA

CRELES Pre-1945

Costa Rica. Estudio de Longevidad y Envejecimiento Saludable
Variables recodificadas, ronda 1

Luis Rosero-Bixby

William H. Dow

Xinia Fernández

Cobertura: Costa Rica, población de 60 y más años de edad en 2005

Financiamiento: Wellcome Trust (Grant 072406/Z/03/Z)

Citación sugerida:

Rosero-Bixby, Luis, William H. Dow y Xinia Fernández (2013). CRELES: Costa Rica. Estudio de Longevidad y Envejecimiento Saludable. Variables recodificadas, ronda 1. San José, Costa Rica. Centro Centroamericano de Población (CCP), Universidad de Costa Rica. Documento electrónico. Sitio Web de CRELES: <https://ccp.ucr.ac.cr/creles/>

Información adicional sobre el archivo de datos de variables recodificadas

Este documento incluye detalles de algunas variables que el personal del proyecto construyó a partir de otras variables que estaban originalmente en los archivos de datos. En la primera sección se presenta una descripción breve de las variables y en la segunda, la programación exacta que se usó para generar cada variable con el programa STATA.

Nota de traducción: los nombres de variables, las etiquetas de valores y la programación de STATA se mantienen tal como en el original; solo se tradujeron al español los comentarios del código.

1. Descripción breve de las variables del archivo de datos de variables recodificadas (recodedvariables.dta)

Variable creada	Etiqueta de la variable	Descripción
gam	Reside en la Gran Área Metropolitana	Reside en la ciudad capital, San José, y sus áreas metropolitanas circundantes. Incluye un área de 406 km ² .
urban	Reside en un área urbana	Segmentos censales definidos como áreas urbanas por el Instituto Nacional de Estadística y Censos de Costa Rica.
age	Edad correcta a la fecha de la entrevista	Los valores faltantes se reemplazaron con la edad correcta según la cédula de identidad, usando la fecha de nacimiento.
eduyear	Años de educación aprobados	Número de años de educación aprobados, reemplazando los valores faltantes con la información del Censo 2000 de Costa Rica.
educlevel	Nivel de educación	Nivel de educación según los años aprobados en cada nivel.
ingc	Ingreso del cónyuge (miles de colones)	Ingreso del cónyuge de la persona entrevistada.
ingtotal	Ingreso total de la persona entrevistada (miles de colones)	Ingreso total de la persona entrevistada.
tenebienes	Bienes del hogar 0-10	Índice que suma el número de bienes, entre 0 y 10.
rorina	Tiene muestra de orina	Si se recolectó una muestra de orina de la persona entrevistada.
rsangre	Tiene muestra de sangre	Si se recolectó una muestra de sangre de la persona entrevistada.
rantro	Tiene mediciones antropométricas	Si se tomaron mediciones antropométricas al participante.
rdieta	Tiene información de dieta	Si se obtuvo información de dieta del

Variable creada	Etiqueta de la variable	Descripción
		participante.
rwave2	Tiene información de la segunda ronda	Si la persona entrevistada participó en la ronda 2 de CRELES en 2007.
proxy	Si se usó un informante sustituto (proxy)	Si la persona entrevistada necesitó que otra persona le ayudara a responder el cuestionario.
imc2	IMC	Peso dividido por la talla al cuadrado, con imputación de los valores faltantes de talla y peso.
discfun	Escala de discapacidad funcional 0-100	Basada en la capacidad de caminar varias cuadras, subir escaleras, empujar objetos y levantar los brazos.
discbas	Escala de discapacidad básica 0-100	Escala de AVD basada en la capacidad de cruzar un cuarto caminando, bañarse, comer, acostarse, usar el servicio sanitario y cortarse las uñas.
discinst	Escala de discapacidad instrumental 0-100	Escala de AIVD basada en la capacidad de cocinar, manejar dinero, hacer compras y tomar medicamentos.
disctot	Escala de discapacidad general 0-100	Toma en cuenta la discapacidad funcional, básica e instrumental.
riskadl	No puede realizar 5+ de 14 AVD y AIVD	Variable categórica que vale 1 si la persona no puede realizar 5 o más de 14 AVD y AIVD.
indicog	Respuestas correctas en la escala de deterioro cognitivo	Basada en las preguntas para medir el deterioro cognitivo.
cogniscale	Escala de deterioro cognitivo, media (ítems estandarizados) 0-100	Escala de deterioro cognitivo estandarizada para que el puntaje esté entre 0 y 100.
cognidis	Deterioro cognitivo severo (<75% de la escala o <12 ítems)	Variable categórica en la que 1 indica que la persona tiene deterioro cognitivo severo.
depressed	8+ ítems de 15 en la escala de depresión	Variable categórica en la que 1 indica 8 o más síntomas de depresión de 15.
deprescale	Escala de depresión, media (ítems estandarizados) 0-100	Escala de depresión estandarizada para que el puntaje esté entre 0 y 100.
htaclasif	Medición de hipertensión	Variable categórica que indica la condición de presión arterial de la persona.

Variable creada	Etiqueta de la variable	Descripción
diabglucontrol	Diabetes medida por el nivel de glucosa	Variable categórica que indica la condición de la persona según su nivel de glucosa.
diabhemo	Diabetes medida por el nivel de hemoglobina	Variable categórica que indica la condición de la persona según su nivel de hemoglobina.
msnum	Número de componentes del síndrome metabólico (4), excepto cintura	Incluye como componentes: HDL, triglicéridos, hipertensión y diabetes.
mesynd	Síndrome metabólico	Variable dicotómica que indica si la persona tiene o no síndrome metabólico.

Nutrientes (los detalles sobre el cálculo de los nutrientes se encuentran en el documento de metodología)

Variable	Descripción
hatcalor	Energía total, kcal/d
hatprot	Proteína, g/d
hatcarbo	Carbohidratos, g/d
hatxgibd	Índice glicémico
hatxglb	Carga glicémica, g/d
hattfat	Grasa total, g/d
hatxsatf	Grasa saturada, g/d
hatxmonf	Grasa monoinsaturada, g/d
hatxpolf	Grasa poliinsaturada, g/d
hatxome6_wo	Ácidos grasos omega-6, g/d
hatxpf3_wo	Ácidos grasos omega-3, g/d
hatxttfa	Grasas trans, g/d
hatchol	Colesterol, mg/d
hataofib	Fibra dietética, g/d
hatxatoc	Alfa-tocoferol, mg/d
hatxgtoc	Gamma-tocoferol, mg/d
hatcalc	Calcio, mg/d
hatxfe03	Hierro, mg/d
hatalco	Consumo de alcohol, g/d
hicalorias	Consume más de 3000 calorías por día
localorias	Consume menos de 1500 calorías por día
carbs	Consume más de 400 g de carbohidratos por día

2. Programación exacta para generar las nuevas variables

```
****USANDO elderlypeople.dta**.
```

```
***Años de educación: eduyear**.
```

```
gen eduyear= a2b  
recode eduyear . =0 9=3  
replace eduyear= eduyear+6 if a2a==2 | a2a==3  
replace eduyear= eduyear+11 if a2a==4 | a2a==5  
replace eduyear = eduyr_cen if eduyear==.  
lab var eduyear "Education years approved"
```

```
***Nivel de educación: educlevel
```

```
gen educlevel=0 if eduyear==0  
replace educlevel=1 if eduyear<=6 & eduyear>=1  
replace educlevel=2 if eduyear>6 & eduyear<=11  
replace educlevel=3 if eduyear>11
```

```
***Generando las variables de ingreso**
```

```
gen ing=h20  
gen ingp=sp3  
gen ingt=g2  
gen ingc=h24
```

```
**Se reemplazan los montos de ingreso total con los montos de pensión o de transferencias de dinero cuando no se especifica el ingreso **
```

```
replace ing=sp3 if ing==9999 & sp3>0 & sp3<9999  
replace ing=g2 if ing==9999 & g2>0 & g2<9999
```

```
**Recodificando valores faltantes**
```

```
recode ingp . =0  
recode ingt . =0  
recode ingc . =0
```

```
**Recodificando montos no especificados**
```

```
recode ing 9999=0  
recode ingp 9999=0  
recode ingt 9999=0  
recode ingc 9999=0  
sum ing-ingc
```

```
**Generando el ingreso total de la persona entrevistada: ingtotal**
```

```
gen ingtotal=ing+ingt if ing>=ingp  
replace ingtotal=ing+ingp+ingt if ing<ingp
```

```
****Variable:tenebienes**.
```

```
replace j31=j30 if j1<5 & j30~=9 & j31==9  
replace j32=j30 if j1<5 & j30~=9 & j32==9
```

```

gen indiviv=(j30+j31+j32) if j1<5
replace indiviv=. if (j30==. & j31==. & j32==. )
replace indiviv=. if (j30==9 & j31==9 & j32==9 )

gen vivind=.
replace vivind=1 if indiviv<6
replace vivind=2 if indiviv<9 & indiviv>5
replace vivind=3 if indiviv==9
replace vivind=9 if indiviv>9 & indiviv<.
lab var vivind "Condicion de la vivienda"
lab def vivind 1"Mal estado" 2"Regular" 3"Buenas condiciones" 9"No
valorado", modify
lab val vivind vivind
tab vivind

```

****Generando el índice de bienes del hogar (tenebienes)**.**

```

gen tenen1=0
replace tenen1=1 if vivind==3
replace tenen1=. if vivind==.

gen tenen2=0
replace tenen2=1 if j18==1
replace tenen2=. if j18==. |j18==9

gen tenen3=0
replace tenen3=1 if j19==1 | j19==3
replace tenen3=. if j19==. |j19==9

gen tenen4=0
replace tenen4=1 if j26==1
replace tenen4=. if j26==. |j26==9

gen tenen5=0
replace tenen5=1 if j27==1
replace tenen5=. if j27==. |j27==9

gen tenen6=0
replace tenen6=1 if j20==1
replace tenen6=. if j20==. |j20==9

gen tenen7=0
replace tenen7=1 if j28>=1 & j28<=3
replace tenen7=. if j28==. |j28==9

gen tenen8=0
replace tenen8=1 if j21==1 | j22==1
replace tenen8=. if j21==. & j22==.
replace tenen8=. if j21==9 & j22==9

```

```

gen tenen9=0
replace tenen9=1 if j23==1
replace tenen9=. if j23==. |j23==9

gen tenen10=0
replace tenen10=1 if j29>=1 & j29<=3
replace tenen10=. if j29==. |j29==9

***Índice de masa corporal imc2**

**cálculo del índice de masa corporal**.
**usando los datos completos de antropometría, sin ajustar por valores
faltantes**.
gen pesokg= ((k3b*10 + k3c)/10)/2.2
gen tallacm=((k4b *10 + k4c)/10)
gen tallam=tallacm/100
*gen imc=round(pesokg /(tallam* tallam))

*reemplazando 180 valores faltantes de peso y talla
reg tallam k5b age sex
predict pta
replace tallam=pta if tallam==.
label var tallam "Talla en metros"

gen perpeso=ev16
recode perpeso 0=5
reg pesokg perpeso k8b k9b age sex tallam
predict ppe
replace pesokg=ppe if pesokg==.
label var pesokg "Peso en Kg"

gen imc2=round(pesokg /(tallam* tallam))

**Generando el índice de deterioro cognitivo **

gen
indicog=b1a+b1b+b1c+b1d+b2a+b2b+b2c+orden+b4a+b4b+b4c+b5a+b5b+b5c+b6
*(se asignan 0 puntos a quienes respondieron mediante un informante
sustituto)*.
recode indicog .= 0 if indicog==. & am3==2

*****
*Definición de hipertensión (artículo ACOSAP)*.
*****
*Se agrega medicinas

*categorías según la presión diastólica *.
**las personas prehipertensas se consideran normales en hipertensión*.

```

hipertensa en la primera medición si diastólica>=90.

```
gen c138br=.
replace c138br=0 if (c138b<=89)
replace c138br=1 if (c138b>=90 & c138b~=. )
replace c138br=. if c138b==.
tab c138br, miss
tabulate c138br, summarize(c138b)
```

hipertensa en la segunda medición si diastólica >=90.

```
gen h28br=.
replace h28br=0 if (h28b<=89)
replace h28br=1 if (h28b>=90 & h28b~=. )
replace h28br=. if (h28b==. )
tab h28br, miss
tabulate h28br, summarize(h28b)
```

sumando ambas variables.

```
gen cantdia=.
replace cantdia=c138br + h28br
replace cantdia=c138br if h28br==.
replace cantdia=h28br if c138br==.
replace cantdia=. if c138br==. & h28br==.
tab cantdia, miss
tabulate cantdia, summarize(diastolica)
lab def cantdia 0 "No HTA diast" 1 "HTA with one measure" 2 "HTA with
both measure", modify
lab val cantdia cantdia
```

* hipertensa en la primera medición si sistólica>=140*.

```
gen c138ar=.
replace c138ar=0 if (c138a<=139)
replace c138ar=1 if (c138a>=140 & c138a~=. )
replace c138ar=. if (c138a==. )
tab c138ar, miss
tabulate c138ar, summarize(c138a)
```

* hipertensa en la segunda medición si sistólica>=140*.

```
gen h28ar=.
replace h28ar=0 if (h28a<=139)
replace h28ar=1 if (h28a>=140 & h28a~=. )
replace h28ar=. if (h28a==. )
tab h28ar, miss
tabulate h28ar, summarize(h28a)
```

Sumando las dos variables.

```
gen cantsis=.
replace cantsis=c138ar + h28ar
```

```

replace cantsis=c138ar if h28ar==.
replace cantsis=h28ar if c138ar==.
replace cantsis=. if c138ar==. & h28ar==.
tab cantsis, miss
tabulate cantsis, summarize(sistolica)
lab def cantsis 0 "No HTA sist" 1 "HTA with one measure" 2 "HTA for
both measures", modify
lab val cantsis cantsis

```

***Hipertensa según el punto de corte**.

```

gen cantHTA= cantdia + cantsis
replace cantHTA= . if cantdia==. & cantsis==.
tab cantHTA

```

```

gen HTA3de4=.
replace HTA3de4= 0 if cantHTA<=2
replace HTA3de4= 1 if cantHTA>=3 & cantHTA~=.

```

*****Presión alta autorreportada*.

```

gen c4r=1 if c4==1
replace c4r=0 if c4==2
replace c4r=. if c4>=8

```

*****Hipertensa controlada con medicamentos ****.

```

gen htacont=1 if antihta==1

```

**Personas que declaran NO tener hipertensión y que toman los medicamentos*.

```

*replace htacont=0 if c4r==0 & antihta==1

```

***Hipertensa para la prevalencia general, tomando en cuenta los medicamentos y las mediciones **.

```

gen hiperten= HTA3de4
replace hiperten= 1 if HTA3de4==0 & antihta==1
replace hiperten= 1 if HTA3de4==. & antihta==1

```

```

tab hiperten

```

```

lab var antihta "Taking anti-hypertensive drugs"

```

Categorías de hipertensión.

```

gen htaclasif= hiperten
replace htaclasif=1 if (HTA3de4==0 & antihta==1)
replace htaclasif=2 if HTA3de4==1 & (antihta==1 | c4r==1)
replace htaclasif=3 if (HTA3de4==1 & antihta==0) & hiperten~=.
lab def htaclasif 0 " Normal(No hblood pressure)" 1 " Controlled HTA " 2
"Uncontrolled HTA " 3 "Hidden HTA", modify
lab val htaclasif htaclasif

```

****DEFINICIÓN SEGÚN LA HEMOGLOBINA GLICOSILADA**.**

****Usando las variables: riskemog y diab****

```
gen riskemog=1 if hbac1>=6.5
replace riskemog= 0 if hbac1<6.5
replace riskemog=. if hbac1==.
```

***diabetes*.**

```
gen diab=1 if c10==1
replace diab=0 if c10>=2
*replace diab=. if c10>=8
```

****diabetesemog calcula la prevalencia usando los biomarcadores****
****el autorreporte y los medicamentos****

```
gen diabetesemog=diab
replace diabetesemog=1 if riskemogr==1
replace diabetesemog=. if riskemogr==.
```

****Se incluye a las personas sin diabetes autorreportada pero que toman medicamentos para la diabetes ****

```
replace diabetesemog=1 if diab==0 & antidiab==1
```

*****clasificación de la diabetes con hemoglobina glicosilada***.**

```
gen diabemogclasif= diabetesemog
replace diabemogclasif=1 if ((diab==1 | antidiab==1) & riskemogr==0)
replace diabemogclasif=2 if ((diab==1 | antidiab==1) & riskemogr==1)
```

```
replace diabemogclasif=3 if (diab==0 & riskemogr==1)
```

```
lab def diabemogclasif 0 "Not diabetic" 1 "Controlled diab" 2
"Uncontrolled diab" 3 "hidden diab", modify
```

```
lab val diabemogclasif htaclasif
```

****se usan las mismas etiquetas de hipertensión, porque tienen las mismas categorías*****

****Variables dicotómicas de control y de no diagnóstico (o diagnóstico oculto)****

****La diabetes controlada se define solo para quienes tienen diagnóstico de diabetes****

****o toman medicamentos: 1 controlada y 0 no controlada****

```
gen diabemogcontrol=diabemogclasif
recode diabemogcontrol 0=. 1=1 2=0 3=.
```

****La diabetes no diagnosticada u oculta se genera solo para quienes tienen diabetes****

****Con cualquiera de los criterios: autorreporte, medicamentos o biomarcadores****

```
gen diabemogescondida=diabemogclasif
recode diabemogescondida 0=. 1/2=0 3=1
```

****DEFINICIÓN SEGÚN LA GLUCOSA**.**

****Usando las variables ya creadas: riskemog y diab****

****diabetesgluc es la variable para calcular la prevalencia con biomarcadores, autorreporte y medicamentos ****

```
gen diabetesgluc=diab
replace diabetesgluc=1 if riskglucr==1
replace diabetesgluc=. if riskglucr==.
```

****Se incluye a las personas sin diabetes autorreportada pero que toman medicamentos para la diabetes ****

```
replace diabetesgluc=1 if diab==0 & antidiab==1
```

*****Clasificaciones de la diabetes con glucosa en ayunas ***.**

```
gen diabglucclasif= diabetesgluc
replace diabglucclasif=1 if ((diab==1 | antidiab==1) & riskglucr==0)
replace diabglucclasif=2 if ((diab==1 | antidiab==1) & riskglucr==1)
replace diabglucclasif=3 if (diab==0 & riskglucr==1)
```

```
lab def diabglucclasif 0 "Not diabetic" 1 "Controlled diab" 2
"Uncontrolled diab" 3 "hidden diab", modify
lab val diabglucclasif htaclasif
```

****se usan las mismas etiquetas de hipertensión, porque tienen las mismas categorías*****

****Variables dicotómicas de control y de no diagnóstico (o diagnóstico oculto)****

****La diabetes controlada se define solo para quienes tienen diagnóstico de diabetes****

****o toman medicamentos: 1 controlada y 0 no controlada****

```
gen diabglucontrol=diabglucclasif
recode diabglucclasif 0=. 1=1 2=0 3=.
```

****La diabetes no diagnosticada u oculta se genera solo para quienes tienen diabetes****

****Con cualquiera de los criterios: autorreporte, medicamentos o biomarcadores****

```
gen diabglucescondida=diabemogclasif
recode diabglucescondida 0=. 1/2=0 3=1
```

```
gen diabhemo=diabemogclasif
```

****GENERA EL SÍNDROME METABÓLICO ***. Usando risktgsr, riskhdlr de biomarkers.dta**

```
gen msnum=0
replace msnum=msnum+1 if risktgsr==1
replace msnum=msnum+1 if riskhdlr==1
replace msnum=msnum+1 if htaclasif>=1 & htaclasif<=3
replace msnum=msnum+1 if diabemogclasif >=1 & diabemogclasif <=3
replace msnum=. if htaclasif == . | diabemogclas==.
```

```
gen mesynd=0
replace mesynd=1 if waist==1 & msnum >=2
replace mesynd =. if waist==. | msnum==.
```